

ESTUDIO CITOGENÉTICO DE TRES ESPECIES DE GUACAMAYAS (*Ara chloroptera*, *Ara ararauna* y *Ara macao*) EN CAUTÍVERIO. PRUEBAS PRELIMINARES

STELLE, C.¹, MUÑOZ, S. A.¹, JIMÉNEZ, L.², SÁNCHEZ, C.²

¹Estudiantes Tesis de Pregrado. Facultad de Medicina Veterinaria y de Zootecnia. Universidad Nacional de Colombia.

²Profesores, Facultad de Medicina Veterinaria y de Zootecnia. Universidad Nacional de Colombia.

OBJETIVOS

Este trabajo busca presentar el primer reporte de bandeo cromosómico, en tres especies del género Ara encontradas en el territorio nacional; y así contribuir al conocimiento genotípico de la especie, el cual serviría en programas de conservación y reproducción en cautiverio o espacios abiertos controlados, y la posible aplicación metodológica a otras especies del mismo género. Así mismo, colaborar con el establecimiento de un banco de información genética en especies silvestres neotropicales.

MATERIALES Y MÉTODOS

Se utilizaron 2 individuos en cautiverio, pertenecientes al género Ara (*A. ararauna*), se empleó la técnica de cultivo de linfocitos de sangre periférica estandarizada por Vargas (2000), y tinción de bandeo cromosómico: Bandas G (GTG) (Howell y Black, 1978), Bandas C (CBG) (Sumner, 1972), Bandas NOR (NOR-GTG) (Gold y Ellison, 1982) (Howell *et al.*, 1982). Se analizaron las metafases obtenidas, al microscopio de luz para observar la eficacia de las técnicas empleadas. De las láminas con tinción para bandas G fueron seleccionadas las 6 mejores metafases y fotografiadas en un microscopio Leitz Diaplan empleando un objetivo de 100X. Posteriormente se procedió a organizar el cariotipo y a compararlo con el reportado por Vargas (2000).

RESULTADOS

El protocolo usado para obtener bandas NOR (Gold y Ellison, 1982), hace que los cromosomas pierdan sus características y sean difíciles de visualizar. El comportamiento de los cromosomas al bandeo G fue satisfactorio, se evidenciaron diferencias de coloración en los microcromosomas, lo cual podría significar un cambio en el reporte del cariotipo de esta especie. La mayoría de bandas C, se localizaron en las regiones centroméricas y algunas teloméricas.

CONCLUSIONES

Se debe realizar modificaciones al protocolo para obtención de bandas NOR, debido al comportamiento diferente de los cromosomas de este género con el de mamíferos; bandas R para determinar si realmente los microcromosomas presentan patrón de bandeo G, y así poder realizar un reporte confiable.