

INTEGRACIÓN IN VIVO DE SECUENCIAS PROVIRALES DEL VIRUS LINFOTRÓPICO HUMANO TIPO I (HTLV-I) Y EXPRESIÓN DE GENES VIRALES EN CÉLULAS DEL EPITELIO ORAL EN INDIVIDUOS SEROPOSITIVOS

GARCÍA, F.¹, GONZÁLEZ, N.¹, DOMÍNGUEZ, M. C.¹, BLANK, A.²

¹Laboratorio de Biología Molecular y Patogénesis, Departamento de Ciencias Fisiológicas, Facultad de Salud. Universidad del Valle, Cali.

²Laboratorio Sasakawa, Departamento de Morfología, Facultad de Salud. Universidad del Valle, Cali.

labiomol@hotmail.com fejarva@telesat.com.co

OBJETIVO

Determinar la integración in vivo de secuencias provirales en células del epitelio bucal de individuos seropositivos para el HTLV-I.

MATERIALES Y MÉTODOS

A partir de cultivos primarios de células del epitelio oral de 14 individuos con PET/MAH y 11 seropositivos asintomáticos se amplificaron, mediante PCR, varias regiones del DNA proviral. Se efectuó RT-PCR a partir de poblaciones de RNA poli A+ obtenidas de células de epitelio bucal cultivadas durante 7 días.

RESULTADOS

De los 14 pacientes PET/MAH evaluados, 71.4% amplificó la región genómica 3'-LTR (37-738); 78.6% la región pol (4757-4778), 64.3% pol-env (4737-5826) y 57.2% para tax (7358-7516). En los 11 individuos asintomáticos se determinaron amplicones en 54.5% para 3'-LTR, en 63.3% para pol, en 81.8% para pol-env y 45.4% para tax. Aquellos individuos PET/MAH que fueron caracterizados como reactivos para sIgA en FO mostraron amplificación mediante RT-PCR del mRNA de los genes pol y tax. De otra parte, tres de los portadores asintomáticos que también fueron reactivos para sIgA expresaron mRNAs de pol y tax.

CONCLUSIONES

Este es el primer trabajo sistemático en demostrar la infección in vivo por el HTLV-I en células de origen epitelial de la mucosa oral de individuos infectados que abre una frontera para entender mejor el papel de ésta en la patogénesis de la PET/MAH. Además, los resultados obtenidos sirven como criterio para evaluar la respuesta protectora de inmunoógenos a nivel de la misma.