

con hendidura 40% fallecieron y de estos 71% la causa estaba relacionada con la presencia de anomalía congénita. Las hendiduras faciales representan un componente frecuente de las anomalías craneofaciales y son un grupo etiológicamente heterogéneo que originan importante mortalidad neonatal. Por esta razón para su manejo y determinación del pronóstico debe tenerse en cuenta su caracterización etiológica.

***Psorophora columbiae*: ESTRUCTURA GENÉTICA ANALIZADA MEDIANTE PERFILES ISOENZIMÁTICOS Y SECUENCIAS SSCP E INEXISTENCIA DE OTRAS ESPECIES**

BELLO, F.^{1,2}, RUIZ-GARCÍA, M.²

¹Departamento de Biología, Universidad de la Salle, Bogotá, Colombia. ²Genética de Poblaciones-Biología Evolutiva, Departamento de Biología. Facultad de Ciencias. Pontificia Universidad Javeriana. mruiz@javeriana.edu.co

El análisis de tres poblaciones de mosquitos del género *Psorophora* fueron analizadas para los loci isoenzimáticos MDH, PGM, IDH, LAP, a-GDH, ME, HK, PGI, MPI, 6PGD y AAT y para las secuencias obtenidas con los cebadores CP-P1A/CP-P1B con la técnica SSCP. Dos de las poblaciones analizadas corresponden a áreas de la distribución central de la especie en Colombia (Tolima y Meta), mientras que la otra población se halla enclavada en el norte de Colombia, concretamente en el Departamento de Córdoba. Originalmente esas poblaciones se clasificaron como pertenecientes a *Psorophora confinnis*. Sin embargo, algunos autores, posteriormente, especularon con la posibilidad de que en Colombia existieran especies crípticas de este género y que en la zona central del país realmente la especie que existiera fuera *P. columbiae* y en la costa norte del país fuera *P. toltecum*. Estas dos especies se encuentran formando parches discontinuos en diferentes áreas de Estados Unidos y de Centroamérica. En el presente estudio determinamos los estadísticos F jerarquizados de Wright y observamos que el nivel de heterogeneidad genética ($F_{ST}=0.067$) aunque significativo es relativamente pequeño. Igualmente, las distancia genética de Nei, al igual que otras mostró un valor muy pequeño de las mismas, lo cual sugiere que no existen diferencias específicas entre las poblaciones del centro del país con las de la costa Norte de Colombia. La capacidad discriminativa de cada locus dependió del mismo y de la distancia empleada, ya fuera correlación o Euclídea. Un análisis de escalas multidimensionales no lineal mostró que los alelos que tuvieron un comportamiento más distante de los restantes alelos estudiados fueron LAP-B, ME-C, MDH-C, ICDH-A, a-GDH y PGI-A. El test de Lewontin-Krakauer no detectó selección diferencial para el conjunto de loci estudiados. Ciertos marcadores mostraron autocorrelación espacial significativa, aún cuando globalmente el test de Slatkin (1993) rechazó el aislamiento por distancia global. Un análisis de regresión múltiple mostró que la heterocigocidad está fuertemente relacionada de forma positiva con la altura (47.41%-69.27%), con la temperatura (75.51-76.39%) e inversamente con la densidad de la población humana (95.96-98.70%). El análisis SSCP, reveló que la población del norte de Colombia se asemejaba profundamente a las poblaciones de *P. columbiae* en Estados Unidos. Por lo tanto se descarta que esas poblaciones pertenezcan a *P. toltecum*.