

te; para capturar murciélagos se usaron redes de niebla, y para registrar medianos y grandes mamíferos se hicieron recorridos de observación diurnos, búsqueda de rastros y entrevistas. Se registraron en total 61 especies de mamíferos pertenecientes a 11 órdenes; el orden más diverso fue *Chiroptera* con un total de 15 especies, seguido por el orden *Carnívora* con un total de 14 especies y el orden *Rodentia* con 13 especies. Se amplía la distribución latitudinal de las especies *Platyrrhinus nigellus* y *Dermanura bogotensis*; y se reporta como registro nuevo para Colombia la especie *Marmosops neblina*.

**Palabras clave:** mastofauna, Colombia.

### INTERACCIONES PLANTA-INSECTO-PARASITOIDE EN SEMILLAS DE *Alchornea grandiflora* (*Euphorbiaceae*) EN EL SANTUARIO DE FAUNA Y FLORA OTÚN-QUIMBAYA

DUBERNEY GARCÍA GARCÍA, ORLANDO VARGAS RÍOS

Departamento de Biología, Facultad de Ciencias, Universidad Nacional de Colombia,  
Sede Bogotá, Colombia.

dugar80@yahoo.com.br

#### RESUMEN

Se estudió la depredación pre-dispersión por insectos en semillas de *Alchornea grandiflora* y algunos aspectos de la interacción con parasitoides. Se colectaron frutos de nueve árboles por medio de trampas de semillas. La depredación se evaluó con categorías de daño y se determinó la influencia de algunos atributos de las semillas, como tamaño y estado de madurez. Así mismo, se determinaron las especies depredadoras de las semillas, los niveles de daño asociados, la duración de sus estados inmaduros y la interacción con parasitoides. Se encontraron diferencias significativas en la cantidad y el tamaño de semillas producidas por cada árbol durante la temporada de cosecha. De 60 a 90% de las semillas de *A. grandiflora* presentaron niveles de depredación elevados, ejercidos principalmente por dos especies de lepidópteros, *Gnorimoschema* sp. y *Gelechia* sp., cuya frecuencia fue de hasta 60% por árbol. Las semillas fueron dispersadas en diferente estado de madurez, factor que influencia en gran medida los niveles de daño. La depredación constituye la mayor fuente de mortalidad de las semillas y los árboles con la mayor producción de frutos presentaron los porcentajes de depredación más bajos, lo que sugiere un mecanismo de saciación. Se encontraron ocho especies de parasitoides con diferentes estrategias parasíticas asociados con los depredadores de las semillas en estados inmaduros, todas ellas causando la muerte de sus huéspedes en estados larvales avanzados, por lo que el control sobre la depredación no es inmediato. El aborto de las semillas constituye un segundo factor relevante para la mortalidad.

**Palabras clave:** *A. grandiflora*, semillas, parasitoides, pre y post-dispersión.

### PRODUCCIÓN DE PLANTAS TRANSGÉNICAS DE *Solanum phureja* VARIEDAD YEMA DE HUEVO CLON 1 MEDIADA POR *Agrobacterium tumefaciens*

ELBA CRISTINA DÍAZGRANADOS DAZA, ALEJANDRO CHAPARRO GIRALDO

Departamento de Biología, Facultad de Ciencias, Universidad Nacional de Colombia,  
Sede Bogotá, Colombia.

cristinadiazgranados@hotmail.com

#### RESUMEN

El objetivo general de este proyecto fue la producción de plantas transformadas genéticamente de *S. phureja* variedad Yema de Huevo Clon 1 que sean potencialmente tolerantes a insectos, rasgo conferido por la inserción en su genoma del gen *mir2* derivado del pomelo (*Citrus paradisi*) que codifica para un inhibidor de proteasas de tipo Serina. Se trabajó con el sistema de transformación mediado por *Agrobacterium tumefaciens* utilizando la cepa LBA4404 que contiene el plásmido residente pAL4404 y el vector binario pNOV022 el cual contiene el gen de interés *mir2*. Se utilizaron como explantes entrenudos con una longitud de 0,5 a 1 cm provenientes de material *in vitro* entre cuatro a cinco semanas de edad, los cuales fueron co-cultivados en una concentración bacteriana de 1/50, para posteriormente ser colocados en medio de regeneración sin agente de selección. Se encontró que el medio de regeneración más apropiado esta compuesto por Zeatina Ribósido (ZR 2 mg/L), ácido naftalenacético (ANA 0,04 mg/L) y ácido giberélico (AG3 0,1 mg/L) en el cual se logró obtener un 87,6% de calogénesis y un 48,6% de regeneración. Posteriormente se estableció una población de individuos potencialmente transgénicos, a partir de los cuales se realizó una extracción de DNA, organizando los extractos en *pools* de diez individuos, obteniéndose un total de 52 *pools*, a partir de 520 individuos. Se utilizaron cuatro diferentes cantidades de DNA para un volumen final de 50 µl en la PCR: 150 ng; 300 ng; 600 ng; 1.200 ng y se realizó PCR para los dos genes *mir2* (IP) y *manA* (PMI). Tras el análisis por electroforesis de los resultados de la PCR para cada uno de los